

M/S : médecine sciences



Détermination du sexe des mammifères : la mise à jour d'un trafic ?

Mammals sex determination : uncovering new trades

Stéphan Gasca, Brigitte Boizet-Bonhoure, Francis Poulat and Philippe Berta

Volume 19, Number 1, janvier 2003

URI: <https://id.erudit.org/iderudit/000753ar>

[See table of contents](#)

Publisher(s)

SRMS: Société de la revue médecine/sciences
Éditions EDK

ISSN

0767-0974 (print)
1958-5381 (digital)

[Explore this journal](#)

Cite this article

Gasca, S., Boizet-Bonhoure, B., Poulat, F. & Berta, P. (2003). Détermination du sexe des mammifères : la mise à jour d'un trafic ? *M/S : médecine sciences*, 19(1), 25–26.

Tous droits réservés © M/S : médecine sciences, 2003

This document is protected by copyright law. Use of the services of Érudit (including reproduction) is subject to its terms and conditions, which can be viewed online.

<https://apropos.erudit.org/en/users/policy-on-use/>

érudit

This article is disseminated and preserved by Érudit.

Érudit is a non-profit inter-university consortium of the Université de Montréal, Université Laval, and the Université du Québec à Montréal. Its mission is to promote and disseminate research.

<https://www.erudit.org/en/>



Détermination du sexe des mammifères : la mise à jour d'un trafic ?

Stéphan Gasca, Brigitte Boizet-Bonhoure, Francis Poulat, Philippe Berta

Groupe de génétique moléculaire humaine, Institut de Génétique Humaine, UPR1142 Cnrs, 141, rue de la Cardonille, 34396 Montpellier Cedex 5, France.

sgasca@igh.cnrs.fr

> Les dix ans de la découverte du facteur de détermination testiculaire des mammifères SRY (*sex determining region Y chromosome*) ont été célébrés en 2001 lors d'un symposium organisé par la Fondation Novartis [1]. Cette réunion internationale des principaux acteurs du domaine a permis de mesurer le chemin parcouru depuis le clonage de ce gène, mais aussi le chemin restant à parcourir pour comprendre comment un même tissu embryonnaire simple peut donner naissance à deux organes aussi différents que le testicule et l'ovaire. Dans les deux sexes, la gonade est constituée par

l'excroissance de la crête génitale, phénomène détectable dès 10,5 jours *post-coïtum* chez la souris. Elle constitue alors une ébauche de gonade bi-potente, c'est-à-dire capable de former une gonade mâle ou femelle, qui s'oriente vers un destin testiculaire après expression du gène *Sry* localisé sur le bras court du chromosome Y. Très tôt, il fut proposé que la protéine SRY pourrait agir comme un facteur de transcription liant et courbant l'ADN par l'intermédiaire d'un domaine protéique caractéristique de la superfamille des protéines de forte mobilité ou famille HMG [2]. L'expression

du gène *Sry* induit un ensemble d'événements morphogénétiques incluant la prolifération et la délamination des cellules de l'épithélium cœlomique de la crête neurale, la migration de cellules issues du mésonephros, l'induction d'une vascularisation spécifique et enfin l'organisation de cordons sexuels entourant les cellules germinales primordiales [3]. Toutefois, SRY n'est retrouvé que chez les mammifères et, sur le plan moléculaire, aucune cible directe n'a pu être décrite à ce jour.

Dans le même temps, d'autres facteurs de transcription à domaine HMG similaire à celui de SRY ont été isolés et caractérisés [4]. En particulier, *Sox9*, un gène autosomique conservé chez l'ensemble des vertébrés, s'est révélé constituer un autre facteur de détermination testiculaire. Des mutations hétérozygotes de *Sox9* engendrent chez l'homme, outre le syndrome campomélique (→), une inversion de sexe chez 75 % des individus XY. *Sox9* est également capable d'induire la formation de testicules en l'absence de SRY chez des souris transgéniques de génotype XX (→). SOX9

contribue à l'activation transcriptionnelle du gène codant pour l'hormone anti-müllérienne (AMH) dans la cellule de Sertoli, conduisant à la régression des conduits müllériens femelles et clôturant ainsi les étapes regroupées sous le terme de détermination du sexe [5, 6]. *Sox9* constitue un candidat cible plausible pour SRY car il est surexprimé spécifique-

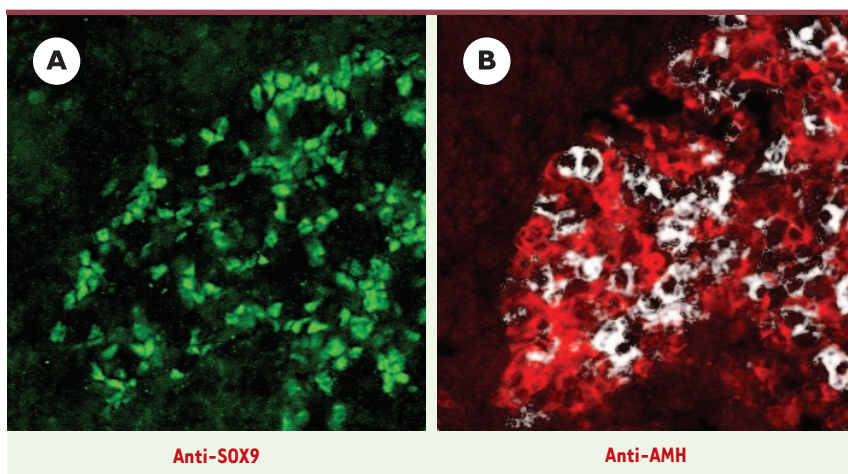


Figure 1. Différenciation testiculaire dans des gonades XX cultivées en présence de leptomyicine B. Cryo-sections adjacentes d'une gonade femelle cultivée *in vitro* en présence de 5 ng/ml de leptomyicine B. Marquage par immunofluorescence avec les anticorps anti-SOX9 (vert) et anti-AMH (rouge). Les cellules germinales primitives sont révélées par l'activité de la phosphatase alcaline (en blanc, montré dans B seulement). Le maintien de la protéine SOX9 dans le noyau des cellules de gonades XX les conduit, après développement *in vitro*, vers un phénotype de cellule de Sertoli. La protéine SOX9 est maintenue dans le noyau de cellules organisées en structures ressemblant aux cordons sexuels (A). La sécrétion d'AMH est induite dans ces mêmes cellules, autour des cellules germinales (B).

ment chez le mâle durant une fenêtre temporelle compatible avec un contrôle direct par SRY [7]. Cependant, SOX9 est déjà exprimé dans les gonades mâles et femelles juste avant l'étape de détermination sexuelle. À ce stade, et malgré la présence de signaux de localisation nucléaire (NLS) [8], la localisation subcellulaire du facteur SOX9 est uniquement cytoplasmique, l'entrée dans le noyau s'opérant dans la seule gonade mâle après l'expression du gène *Sry* [9]. Une étude récente démontre la présence, dans le domaine de liaison à l'ADN de SOX9, d'un signal d'export nucléaire (NES) fonctionnel [10] et permet d'établir de nouvelles hypothèses sur le mécanisme d'induction de la différenciation testiculaire. L'export nucléaire de SOX9 est dépendant de la protéine d'export CRM1 et peut donc être inhibé par la leptomycine B (LMB). L'inhibition de l'export par la LMB, dans des gonades de souris de génotype XX cultivées *in vitro*, conduit au maintien de SOX9 dans le noyau et à l'induction d'une détermination mâle attestée par la mise en place de cordons sexuels sécrétant d'hormone anti-müllérienne (Figure 1). Cette observation suggère que c'est la localisation subcellulaire de SOX9, elle-même dépendante des séquences NLS et NES, qui contrôlerait le mécanisme de détermination du sexe: l'entrée de SOX9 dans le noyau conduirait à la différenciation mâle et son maintien dans le cytoplasme à la différenciation femelle (Figure 2). Ces observations devront être confirmées *in vivo*, en particulier par des études visant à comprendre dans quelle mesure une altération d'origine génétique ou environnementale de ce transport pourrait expliquer certaines pathologies du développement de l'appareil reproducteur. Quoiqu'il en soit, SOX9 s'ajoute à la longue liste des facteurs de transcription dont la localisation cytoplasmique ou nucléaire permet de moduler des processus fondamentaux de la différenciation et du développement. ♦

Mammals sex determination: uncovering new trades

RÉFÉRENCES

1. The genetics and biology of sex determination. In: Chadwick D, Goode J, eds. *Novartis found symposium 244*. London: John Wiley and Sons Ltd, 2002: 266 p.
2. Sinclair AH, Berta P, Palmer MS, et al. A gene from the human sex-determining region encodes a protein with homology to a conserved DNA-binding motif. *Nature* 1990; 346: 240-4.
3. Schmahl J, Eicher EM, Washburn LL, Capel B. *Sry* induces cell proliferation in the mouse gonad. *Development* 2000; 127: 65-73.
4. Bowles J, Schepers G, Koopman P. Phylogeny of the SOX family of developmental transcription factors based on sequence and structural indicators. *Dev Biol* 2000; 227: 239-55.
5. De Santa Barbara P, Bonneaud N, Boizet B, et al. Direct interaction of SRY-related protein SOX9 and steroidogenic factor 1 regulates transcription of the human anti-Müllerian hormone gene. *Mol Cell Biol* 1998; 18: 6653-65.
6. Arango NA, Lovell-Badge R, Behringer RR. Targeted mutagenesis of the endogenous mouse *Mis* gene promoter: *in vivo* definition of genetic pathways of vertebrate sexual development. *Cell* 1999; 99: 409-19.
7. Morais da Silva S, Hacker A, Harley V, Goodfellow P, Swain A, Lovell-Badge R. *Sox9* expression during gonadal development implies a conserved role for the gene in testis differentiation in mammals and birds. *Nat Genet* 1996; 14: 62-8.
8. Sudbeck P, Scherer G. Two independent nuclear localization signals are present in the DNA-binding high-mobility group domains of SRY and SOX9. *J Biol Chem* 1997; 272: 27848-52.
9. De Santa Barbara P, Moniot B, Poulart F, Berta P. Expression and subcellular localization of SF-1, SOX9, WT1, and AMH proteins during early human testicular development. *Dev Dyn* 2000; 217: 293-8.
10. Gasca S, Cañizares J, de Santa Barbara P, et al. A nuclear export signal within the HMG domain regulates the nucleocytoplasmic translocation of SOX9 during sexual determination. *Proc Natl Acad Sci USA* 2002; 99: 11199-204.

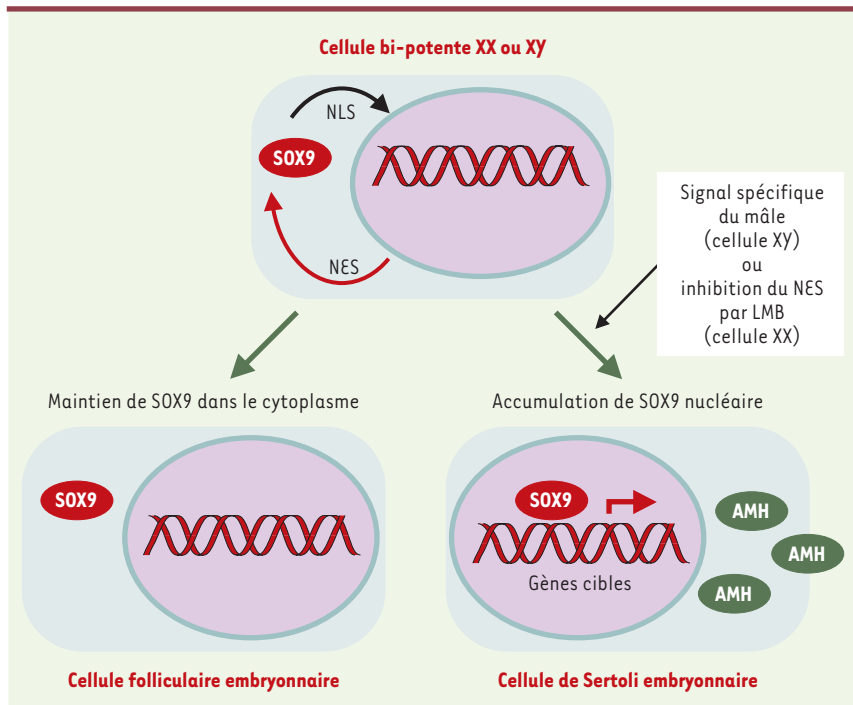


Figure 2. Modèle de régulation de la détermination sexuelle par la localisation subcellulaire de SOX9. Avant la différenciation sexuelle, dans les cellules bi-potentes précurseurs des cellules folliculaires chez la femelle ou des cellules de Sertoli chez le mâle, la protéine SOX9 est maintenue dans le cytoplasme. Chez la femelle, SOX9 demeure cytoplasmique et disparaît avec la formation des cellules folliculaires embryonnaires. Chez le mâle, l'expression du gène *Sry* est suivie de l'entrée de SOX9 dans le noyau, ce qui déclenche le programme de différenciation mâle. Dans des cellules précurseurs femelles, la leptomycine B (LMB) provoque la rétention de la protéine SOX9 dans le noyau et provoque ainsi l'induction du programme mâle. L'entrée de SOX9 dans le noyau agirait comme un interrupteur déclenchant la voie de différenciation mâle, nécessaire pour prendre le relais du signal induit par SRY, mais également suffisant pour s'y substituer. AMH: anti-müllerian hormone; NES: nuclear export signal; NLS: nuclear localization signal.